



Kuriame  
Lietuvos ateitį

2014–2020 metų  
Europos Sąjungos  
fondų investicijų  
veiksmų programa

<b>Projekto pavadinimas</b>	„Daugiapakopis molekulinis skrandžio vėžio tyrimas: kraujyje cirkuliuojančių genetinių, epigenetinių ir mikrobiomo biožymenų profiliavimas (MULTIOMICS)“
<b>Finansavimo fondas</b>	Europos socialinis fondas
<b>Veiksmų programa</b>	2014–2020 m. Europos Sąjungos fondų investicijų veiksmų programa
<b>Veiksmų programos prioritetas</b>	9 prioritetas „Visuomenės švietimas ir žmogiškųjų išteklių potencialo didinimas“
<b>Veiksmų programos prioriteto priemonė ir veikla</b>	Priemonė Nr. 09.3.3-LMT-K-712 „Mokslininkų, kitų tyrėjų, studentų mokslinės kompetencijos ugdymas per praktinę mokslinę veiklą“ veikla „Mokslininkų kvalifikacijos tobulinimas vykdant aukšto lygio MTEP projektus“
<b>Projekto kodas</b>	09.3.3-LMT-K-712-01-0130
<b>Projekto trukmė</b>	2018-01-02 – 2021-12-31
<b>Bendra projekto vertė</b>	599.909,85 Eur
<b>Projekto vykdytojas</b>	Lietuvos sveikatos mokslų universitetas
<b>Projekto partneriai</b>	–
<b>Trumpas projekto aprašymas</b>	<p>Skrandžio vėžys yra vienas dažniausių virškinamojo trakto onkologinių susirgimų Lietuvoje ir visame pasaulyje, o mirtingumas nuo jo yra vienas didžiausių visų onkologinių susirgimų tarpe. Siekiant pagerinti ankstyvą skrandžio vėžio diagnostiką, ligos eigos stebėseną ir pacientų prognozę, tikslinga ieškoti naujų šios ligos molekulinų biožymenų, naudojant modernias “omikos” metodikas, kurias būtų galima taikyti klinikinėje praktikoje. Šis projektas yra pirmasis pasaulyje, kuris, pasitelkiant daugiapakopę kraujyje cirkuliuojančių genetinių, epigenetinių ir mikrobiomo biožymenų analizę, nustatys biožymenų profilį sergantiems skrandžio vėžiu ir ikivėžinėmis būklėmis bei įvertins šių žymenų tinkamumą neinvazinei ligų diagnostikai, stebėsenai ir prognozei. Įgyvendinant projektą bus atliekami: (i) molekuliniai laisvai cirkuliuojančių vėžinių DNR multi-geninio profilio, (ii) cirkuliuojančių nekoduojančių RNR raiškos ir genetinių pakitimų profilio bei (iii) kraujo mikrobiomo tyrimai skrandžio vėžiu ir atrofiniu gastritu sergančiųjų audiniuose ir/ar kraujo plazmoje. Tyrimams bus naudojama naujos kartos sekoskaita bei bioinformatinė analizė ir matematinis modeliavimas. Gauti rezultatai bus svarbūs tiek teoriniu - nustatant genetinių, epigenetinių ir mikrobiomo pokyčių reikšmę skrandžio vėžio ir atrofinio gastrito patogenezėje, tiek praktiniu požiūriu, ieškant biožymenų ar jų kombinacijų personalizuotai neinvazinei skrandžio vėžio diagnostikai, navikinio proceso stebėsenai ir/ar prognostikai. Šie rezultatai bus naudingi ateities moksliniams ir taikomiesiems darbams bei pasitarnaus kuriant naujas diagnostikos ir gydymo metodikas.</p>